

ウイルス性変形症

病原体:RNAウイルス

ウイルス性変形症原因ウイルス (VDV)

ビルナウイルス科、アクアビルナウイルス属 類似ウイルス; IPNV, YATV

宿主:ブリ、ヒラマサ

区分	手法名 (文献)	プライマー		反応温度条件	増幅産物	備考	推奨度
		名称	配列(5'-3')				
RT-PCR	P1/P2 (1st-RT-PCR) P3/P4 (2nd-PCR) Suzuki et al., (1997)	P1	AGA GAT CAC TGA CTT CAC AAG TGA C	(95°C1分, 48°C1分, 72°C1分)×30 サイクル	359bp	原報は2ステップでRT-PCRを行う。Segment Aを増幅。検出限界は1pgウイルスRNA量である。本法はIPNVやYATVを含む海水魚に感染するアクアビルナウイルスも検出できる。YATVとVDVの塩基配列はほとんど違いがないので、VDVも検出可能と思われる。	-
		P2	TGT GCA CCA CAG GAA AGA TGA CTC				
		P3	CAA CAC TCT TCC CCA TG		168bp	P1/P2のnested PCR。VP2/NS結合部を増幅する。検出限界は1fgウイルスRNA量である。本法はIPNVやYATVを含む海水魚に感染するアクアビルナウイルスも検出できる。YATVとVDVの塩基配列はほとんど違いがないので、VDVも検出可能と思われる。	-
		P4	AGA ACC TCC CAG TGT CT				

文献

Suzuki, S., Hosono, N. and Kusuda, R. (1997) Detection of aquatic birnavirus gene from marine fish using a combination of reverse transcription- and nested PCR. J. Mar. Biotechnol., 5, 205-209.