

*Myxobolus aeglefini*

宿主: ノロゲンゲ等

| 区分  | 手法名<br>(文献)   | プライマー         |                                    | 反応温度条件  | 増幅産物<br>bp | 備考                                     | 推奨度 |
|-----|---|---------------|------------------------------------|---|------------|--|-----|
|     |   | 名称            | 配列(5'-3')                          |   |            |  |     |
| PCR | (Fiala 2006;<br>Karlsbakk<br>et al 2017)              | Myxospec-F    | TTC TGC CC TAT CAA CTT GTT G       | 95°C5分→(94°C30秒、57°C30秒、72°C<br>90秒)×40サイクル→72°C10分 | -          | ユニバーサルプライマー<br>による増幅。同定には<br>シーケンスが必要。 | -   |
|     |   | Mbol-R1       | CAT GCA CCA CCA TCC AAC G          |   |            |  |     |
|     | (Hillis &<br>Dixon 1991;<br>Karlsbakk<br>et al. 2017) | Mybo-F        | TGT TGAT AGC ATG GAA CGA ACA ATT G | 95°C5分→(94°C30秒、57°C30秒、72°C<br>90秒)×40サイクル→72°C10分 | -          | ユニバーサルプライマー<br>による増幅。同定には<br>シーケンスが必要。 | -   |
|     |   | 18 g          | CGG TAC TAG CGA CGG GCG GTG TG     |   |            |  |     |
|     | (Karlsbakk<br>et al 2017)                             | M-alb-430fwd  | AAG ACA GCA GGC GCG CAA C          | 95°C4分→(95°C30秒、55°C30秒、72°C<br>60秒)×30サイクル→72°C7分  | -          | ユニバーサルプライマー<br>による増幅。同定には<br>シーケンスが必要。 | -   |
|     |   | M-alb-1470rev | TCT CGC TCG TTT AAG GAA TC         |   |            |  |     |
|     | (Freeman<br>et al 2008)                               | 1430fwd       | TTA GTT CGT GGA GTG ATC TG         | 95°C4分→(95°C30秒、55°C30秒、72°C<br>60秒)×30サイクル→72°C7分  | -          | ユニバーサルプライマー<br>による増幅。同定には<br>シーケンスが必要。 | -   |
|     |   | 18gM          | CTT CCG CTG GTT CAC CTA CG         |   |            |  |     |

文献

特異的検出法は未開発。

Karlsbakk, E., Á. Kristmundsson, M. Albano, P. Brown and M. A. Freeman (2017): Redescription and phylogenetic position of *Myxobolus aeglefini* and *Myxobolus platessae* n. comb. (Myxosporea), parasites in the cartilage of some North Atlantic marine fishes, with notes on the phylogeny and classification of the Platysporina. *Parasitol Int*, 66, 952-959.

Freeman, M. A., H. Yokoyama and K. Ogawa (2008): Description and phylogeny of *Ceratomyxa anko* sp. n. and *Zschokkella lophii* sp. n. from the Japanese anglerfish, *Lophius litulon* (Jordan). *J Fish Dis*, 31, 921-930.

Hillis DM, Dixon T (1991) Ribosomal DNA: molecular evolution and phylogenetic inference. *Q Rev Biol* 66:411- 453

Fiala I. The phylogeny of myxosporea (myxozoa) based on small subunit ribosomal RNA gene analysis. *Int J Parasitol*. 2006;36(14):1521-34.